

FEB 27 2003



FEB 27 2003

Table 1: Bet v 1

Table 1 shows a listing in descending order of surface exposure of Bet v 1 amino acids. Column 1 lists the amino acid number starting from the amino-terminal, column 2 lists the amino acid in one letter abbreviation, column 3 lists the normalised surface exposure index, column 4 lists the percent of known sequences having the concerned amino acid in this position. Solvent accessibility above 20% indicated with bold line

NO	AA	Solv_exp	Cons %
129	K	1,000	90
60	E	0,986	97
47	N	0,979	100
65	K	0,978	100
108	P	0,929	100
159	N	0,869	100
93	D	0,866	100
123	K	0,855	100
32	K	0,855	100
125	D	0,821	74
145	R	0,801	90
109	D	0,778	82
77	T	0,775	56
127	E	0,760	100
36	Q	0,749	95
131	E	0,725	100
152	L	0,718	97
6	E	0,712	100
96	E	0,696	100
156	D	0,693	97
63	P	0,692	97
76	H	0,683	90
8	E	0,638	97
134	K	0,630	100
45	E	0,623	100
10	T	0,613	97
12	V	0,592	100
20	K	0,584	100
62	L	0,575	5
155	S	0,568	97
126	H	0,551	95
50	P	0,541	100
78	N	0,538	100
119	K	0,529	100
2	V	0,528	100
24	L	0,528	100

NO	AA	Solv_exp	Cons %
42	E	0,519	100
4	N	0,517	95
153	A	0,513	100
44	I	0,508	97
138	E	0,496	100
61	G	0,488	100
130	A	0,479	97
70	R	0,474	100
28	N	0,469	90
35	P	0,467	100
149	S	0,455	92
103	K	0,447	100
150	Y	0,438	100
154	H	0,436	100
43	N	0,412	100
106	A	0,411	95
115	K	0,411	100
14	P	0,410	97
5	Y	0,410	100
137	K	0,396	100
141	E	0,387	95
87	E	0,385	100
73	E	0,384	100
16	A	0,367	100
79	F	0,362	100
3	F	0,355	100
158	Y	0,346	100
105	V	0,336	100
101	E	0,326	100
64	F	0,325	100
86	I	0,322	100
39	S	0,314	100
124	G	0,310	100
72	D	0,308	97
142	T	0,293	67
66	Y	0,289	100
55	K	0,288	100
7	T	0,279	67
40	S	0,274	95
25	D	0,271	87
135	A	0,267	92
68	K	0,262	100
97	K	0,247	100
46	G	0,235	100
27	D	0,232	97
1	G	0,227	100
113	I	0,225	77
51	G	0,220	100
92	G	0,218	100

NO	AA	Solv_exp	Cons %
80	K	0,212	100
110	G	0,211	100
107	T	0,203	85
94	T	0,202	92
41	V	0,201	97
48	G	0,198	100
91	I	0,192	18
31	P	0,188	100
75	D	0,188	97
33	V	0,183	100
49	G	0,176	100
17	R	0,172	100
99	S	0,158	64
89	G	0,154	100
53	I	0,154	100
121	H	0,153	100
9	T	0,150	72
74	V	0,148	97
132	Q	0,146	72
57	S	0,137	49
148	E	0,135	100
82	N	0,133	41
128	V	0,125	64
117	S	0,124	87
90	P	0,117	67
116	I	0,112	100
122	T	0,107	100
139	M	0,104	62
95	L	0,104	97
54	K	0,096	100
146	A	0,095	100
59	P	0,088	97
157	A	0,088	100
133	V	0,077	44
88	G	0,068	100
140	G	0,053	85
37	A	0,042	95
81	Y	0,041	100
23	I	0,036	95
104	I	0,036	92
15	A	0,036	97
58	F	0,029	100
29	L	0,028	100
19	F	0,027	100
100	N	0,022	97
22	F	0,021	97
71	V	0,014	100
111	G	0,014	100
13	I	0,014	100

NO	AA	Solv_exp	Cons %
18	L	0,014	97
114	L	0,014	100
11	S	0,007	100
151	L	0,007	97
144	L	0,007	90
52	T	0,007	100
84	S	0,007	97
118	N	0,007	97
102	I	0,007	100
21	A	0,000	97
26	G	0,000	97
30	F	0,000	44
34	A	0,000	100
38	I	0,000	87
56	I	0,000	100
67	V	0,000	97
69	D	0,000	62
83	Y	0,000	95
85	V	0,000	72
98	I	0,000	95
112	S	0,000	77
120	Y	0,000	95
136	S	0,000	67
143	L	0,000	100
147	V	0,000	100

Table 2: Der p 2

Table 2 shows a listing in descending order of surface exposure of Der p 2 amino acids. Column 1 lists the amino acid number starting from the amino-terminal, column 2 lists the amino acid in one letter abbreviation, column 3 lists the normalised surface exposure index, column 4 lists the percent of known sequences having the concerned amino acid in this position. Solvent accessibility above 20% indicated with bold line

NO	AA	Solv_exp	Cons %
128	R	1,000	100
129	D	0,965	100
11	H	0,793	100
30	H	0,712	100
1	S	0,700	100
77	K	0,694	100
75	Y	0,681	100
31	R	0,677	100
82	K	0,658	100
6	K	0,645	100
96	K	0,643	100
48	K	0,642	100
55	K	0,641	100
89	K	0,627	100
85	Q	0,624	100
92	W	0,610	100
97	I	0,581	100
22	H	0,568	100
65	V	0,559	100
24	S	0,557	100
74	H	0,542	100
126	K	0,542	100
61	L	0,539	100
26	P	0,516	100
93	N	0,513	100
64	D	0,509	100
28	I	0,504	100
14	K	0,493	100
100	K	0,489	100
62	E	0,454	100
127	I	0,439	100
102	E	0,428	100
25	E	0,428	100
66	P	0,427	100
114	D	0,418	57
17	L	0,412	100

NO	AA	Solv_exp	Cons %
60	G	0,390	100
95	P	0,388	100
53	E	0,377	100
81	V	0,377	100
51	K	0,370	100
103	N	0,369	100
2	Q	0,366	100
46	N	0,360	100
42	E	0,357	100
91	T	0,340	100
87	D	0,334	100
10	N	0,333	100
111	M	0,325	71
8	C	0,323	100
124	H	0,315	100
68	I	0,313	100
79	P	0,307	100
109	K	0,307	100
15	K	0,302	100
49	T	0,292	100
44	N	0,291	100
113	D	0,290	100
63	V	0,286	100
105	V	0,280	100
19	P	0,270	100
84	Q	0,264	100
76	M	0,262	86
7	D	0,251	100
116	V	0,244	100
78	C	0,238	100
36	Q	0,235	100
45	Q	0,233	100
40	V	0,223	57
57	S	0,212	100
38	E	0,205	100
69	D	0,203	100
9	A	0,196	100
71	N	0,190	100
98	A	0,186	100
115	G	0,180	100
13	I	0,179	100
123	T	0,179	100
34	P	0,178	100
4	D	0,157	100
20	G	0,150	100
107	T	0,143	100
12	E	0,137	100
94	V	0,137	100
121	I	0,136	100

NO	AA	Solv_exp	Cons %
83	G	0,128	100
70	P	0,128	100
73	C	0,120	100
3	V	0,116	100
35	F	0,111	100
59	D	0,099	100
29	I	0,098	100
23	G	0,085	100
54	I	0,075	100
5	V	0,075	100
101	S	0,074	100
72	A	0,069	100
27	C	0,060	100
32	G	0,059	100
99	P	0,058	100
86	Y	0,056	100
16	V	0,052	100
50	A	0,040	100
90	Y	0,039	100
18	V	0,035	100
33	K	0,033	100
52	I	0,029	100
58	I	0,029	100
104	V	0,024	100
112	G	0,023	100
21	C	0,023	100
88	I	0,023	100
117	L	0,016	100
56	A	0,011	100
41	F	0,011	100
120	A	0,006	100
119	C	0,006	100
67	G	0,005	100
122	A	0,005	100
37	L	0,000	100
39	A	0,000	100
43	A	0,000	100
47	T	0,000	29
80	L	0,000	100
106	V	0,000	100
108	V	0,000	100
110	V	0,000	100
118	A	0,000	100
125	A	0,000	100

Table 3: Ves v 5

Table 3 shows a listing in descending order of surface exposure of Ves v 5 amino acids. Column 1 lists the amino acid number starting from the amino-terminal, column 2 lists the amino acid in one letter abbreviation, column 3 lists the normalised surface exposure index, column 4 lists the percent of known sequences having the concerned amino acid in this position. Solvent accessibility above 20% indicated with bold line

NO ¹	AA	Solv_exp	
16	K	1,000	100
185	K	0,989	100
11	K	0,978	100
44	K	0,978	100
210	K	0,962	100
63	R	0,956	100
13	K	0,951	100
6	F	0,868	100
149	K	0,868	100
128	K	0,857	100
184	E	0,841	100
112	K	0,824	100
202	K	0,824	50
157	F	0,819	100
3	E	0,802	100
29	K	0,797	100
203	N	0,797	100
34	N	0,775	100
78	K	0,775	100
151	K	0,753	100
15	L	0,714	100
158	L	0,714	100
102	Y	0,687	100
186	W	0,665	100
134	K	0,654	100
87	D	0,621	100
52	K	0,615	100
67	T	0,610	100
125	T	0,610	100
150	K	0,604	100
40	Y	0,593	100
48	Q	0,593	100
65	L	0,593	100
81	K	0,588	100
101	Q	0,577	100
208	Q	0,566	100
144	K	0,560	100

NO ¹	AA	Solv_exp	
8	N	0,555	100
70	N	0,549	100
104	H	0,549	100
45	Q	0,538	100
137	K	0,538	100
159	K	0,533	100
205	E	0,511	100
82	N	0,500	100
111	A	0,500	100
131	D	0,495	100
24	K	0,489	100
36	V	0,489	100
7	N	0,484	100
138	M	0,473	100
209	T	0,473	100
84	V	0,462	100
172	K	0,451	100
19	V	0,445	100
56	D	0,445	100
73	P	0,440	100
33	G	0,429	100
106	T	0,429	100
170	N	0,429	100
28	L	0,423	100
43	T	0,423	100
114	Q	0,423	100
10	C	0,412	100
60	K	0,407	100
31	N	0,396	100
47	K	0,396	100
5	E	0,390	100
145	D	0,390	100
38	V	0,379	100
127	A	0,379	100
156	D	0,379	100
204	E	0,374	100
71	P	0,363	100
26	G	0,352	100
129	Y	0,352	100
141	D	0,341	100
201	F	0,341	100
68	R	0,335	100
200	N	0,308	100
49	D	0,302	100
153	S	0,302	100
35	K	0,297	100
39	S	0,291	100
25	Y	0,280	100
37	V	0,280	100

NO ¹	AA	Solv_exp	
18	G	0,275	100
85	W	0,275	100
182	I	0,275	100
46	E	0,264	100
126	A	0,253	100
88	E	0,247	100
76	P	0,236	100
79	N	0,236	100
124	S	0,236	100
30	P	0,231	100
123	G	0,231	100
162	H	0,231	100
183	Q	0,231	100
12	I	0,225	100
197	P	0,225	100
130	D	0,220	100
148	P	0,214	100
180	K	0,214	100
23	C	0,209	100
75	P	0,209	100
113	Y	0,209	100
108	R	0,203	100
188	K	0,203	100
51	L	0,198	100
59	Q	0,198	100
121	L	0,198	100
122	T	0,198	100
154	G	0,192	100
53	E	0,170	100
72	G	0,170	100
41	G	0,165	100
86	N	0,165	100
147	N	0,165	100
173	E	0,165	100
27	S	0,159	100
94	Q	0,159	100
187	H	0,159	100
142	E	0,154	100
64	G	0,148	100
17	G	0,143	100
133	V	0,137	100
42	L	0,121	100
155	N	0,121	100
55	N	0,115	100
91	Y	0,115	100
69	G	0,110	100
103	G	0,110	100
198	S	0,110	100
109	D	0,093	100

NO ¹	AA	Solv_exp	
207	Y	0,082	100
96	W	0,077	100
161	G	0,077	100
140	E	0,071	100
152	F	0,071	100
80	M	0,066	100
117	Q	0,066	100
4	A	0,060	100
32	C	0,055	100
90	A	0,055	100
206	L	0,055	100
22	A	0,049	100
110	V	0,044	100
146	Y	0,044	100
14	C	0,038	100
9	Y	0,033	100
62	A	0,033	100
132	P	0,033	100
57	F	0,027	100
99	Q	0,027	100
100	C	0,027	100
199	G	0,027	100
77	A	0,022	100
105	D	0,022	100
119	V	0,022	100
20	H	0,016	100
83	L	0,016	100
120	A	0,016	100
139	W	0,016	100
176	C	0,016	100
178	S	0,016	100
181	Y	0,016	100
95	V	0,011	100
115	V	0,011	100
116	G	0,011	100
165	Q	0,011	100
169	A	0,011	100
189	H	0,011	100
66	E	0,005	100
74	Q	0,005	100
89	L	0,005	100
92	V	0,005	100
98	N	0,005	100
118	N	0,005	100
168	W	0,005	100
21	T	0,000	100
50	I	0,000	100
54	H	0,000	100
58	R	0,000	100

NO ¹	AA	Solv_exp	
61	I	0,000	100
93	A	0,000	100
97	A	0,000	100
107	C	0,000	100
135	L	0,000	100
136	V	0,000	100
143	V	0,000	100
160	T	0,000	100
163	Y	0,000	100
164	T	0,000	100
166	M	0,000	100
167	V	0,000	100
171	T	0,000	100
174	V	0,000	100
175	G	0,000	100
177	G	0,000	100
179	I	0,000	100
190	Y	0,000	100
191	L	0,000	100
192	V	0,000	100
193	C	0,000	100
194	N	0,000	100
195	Y	0,000	100
196	G	0,000	100

¹ amino acid residue numbering refers to the following sequence

1 aeaefnnyck ikclkggvht ackygslkpn cgnkvvvsyg ltkqekqdil kehndfrqki
 61 argletrgnp gpqppaknmk nlvwndelay vaqvwanqcq yghdtcrdva kyqvgqnval
 121 tgstaakydd pvklvkmwed evkdynpkkk fsgndflktg hytqmwwant kevgcgsiky
 181 iqekwhkhyl vcnygpsgnf kneelyqtk